

Resumen | Presentación en Modalidad Oral

Área Biotecnología. *Proyecto en curso*

## Estudios de diversidad genética en *Salix humboldtiana*

### *Genetic diversity study on Salix humboldtiana*

Pomponio, M.F.<sup>1,2</sup>; Torales, S.L.<sup>2</sup>; Vazquez, C.<sup>1</sup>;  
Mirra, F.<sup>1</sup>; Cerrillo, T.<sup>3</sup>, López, M.V.<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>Universidad del Salvador

<sup>2</sup>Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria-Instituto de Recursos Biológicos

<sup>3</sup>Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria-EEA Delta

Contacto: micaela.lopez@usal.edu.ar

Palabras clave: salix, diversidad genética,  
marcadores moleculares

Keywords: *salix*, genetic diversity, molecular markers

*Salix humboldtiana* Willd, vulgarmente conocido como «Sauce Criollo» es la única especie de sauce nativa de América del Sur. Su distribución en Argentina abarca desde Salta, Jujuy y Formosa hasta la Patagonia (Ragonese, 1966)<sup>1</sup>. Esta especie, presenta diversos usos: maderero, medicinal, ornamental, forrajera para ganado, melífera y para restauración de zonas ribereñas erosionadas. En las riberas e islas del Río Paraná, Paraguay y tributarios se reproduce naturalmente. Sin embargo, debido a la presencia de especies exóticas de sauces introducidas en su área de distribución natural, y a la fácil hibridación con las mismas amenazan la persistencia de la información genética del sauce nativo. Este proyecto tiene como objetivo estudiar la diversidad genética de la especie a través de marcadores microsatélites con el fin de rescatar individuos puros útiles para los programas de conservación y mejora. El programa de mejoramiento de esta especie se encuentra en una etapa inicial que consiste en introducciones de estacas, propagación y análisis genético de los individuos. Se

han estudiado hasta el momento un total de 30 genotipos de la región del Delta del Paraná en Victoria, Entre Ríos, y en Formosa. A fin de conocer la variabilidad existente en estos materiales y la presencia de híbridos se analizaron los ADNs provenientes de hojas mediante marcadores moleculares microsatélites. La metodología empleada fue la reacción en cadena de la enzima polimerasa (PCR) y los fragmentos obtenidos fueron visualizados mediante electroforesis en geles de poliacrilamida. Se obtuvieron productos de amplificación para los 20 marcadores analizados y dentro del rango esperado resultando 14 marcadores monomórficos y 6 polimórficos. Además, la aplicación de marcadores diagnósticos sugirió que las muestras analizadas corresponderían a individuos de *Salix humboldtiana* puros y diploides. Actualmente se continúa trabajando con la puesta a punto de nuevos marcadores y con la extracción de ADN de individuos provenientes de Diamante, Entre Ríos.

#### Referencias bibliográficas

<sup>1</sup> Ragonese, A.E., (1966) (a). Principales especies e híbridos cultivados del género «Salix». Usos e importancia. IDIA, suplemento NQ 17 (Suplemento Forestal NQ 3). Programación Forestal Documento básico, página 59-62.