

## Resumen

Área Producción Vegetal. *Proyecto con resultados*

## Caracterización agronómica y estimación de parámetros genéticos en una población de agropiro alargado (*Thinopyrum ponticum*)

### *Agronomic characterization and genetic parameters estimation in a tall wheatgrass population (Thinopyrum ponticum)*

Gandolfi Donadio, E.<sup>1</sup>; Lavandera, J. E.<sup>2</sup>,  
Acuña, M. L.<sup>2,3</sup>

<sup>1</sup>Universidad Católica Argentina

<sup>2</sup>Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA)

<sup>3</sup>Universidad Nacional del Noroeste de la Provincia de Buenos Aires (UNNOBA)

Contacto: acuna.mariela@inta.gov.ar

Palabras clave: mejoramiento genético, selección, halomorfismo.

Keywords: *breeding, selection, halomorphism*

El objetivo del presente estudio fue evaluar la variabilidad genética en genotipos de agropiro alargado (*Thinopyrum ponticum*) en dos ambientes contrastantes, y estimar los parámetros genéticos para caracteres de interés agronómico. Para ello, se evaluaron 35 genotipos de Agropiro alargado en dos ensayos de bloques completamente aleatorizados con 3 repeticiones. Cada uno de los ensayos corresponde a dos ambientes diferentes. Uno con condiciones desfavorable, suelo Sódico (suelo Natracualf: pH=10; CE= 1,92 dS/m) y otro en suelo No Sódico (suelo Argiudol: pH=6,7; CE= 1,6 dS/m). Se evaluaron características morfológicas y reproductivas de cada genotipo. En cuanto a los ambientes en el ambiente Sódico sólo algunas variables presentaron diferencias significativas como altura 6/11 y Peso de 1000 semillas, en tanto los valores de here-

dabilidad fueron bajos a nulos, sin embargo algunos genotipos presentaron una tendencia más productiva. Mientras que para el ambiente No Sódico hubo diferencias significativas en todas las variables en estudio, destacándose genotipos muy productivos tanto a nivel de forraje como de semilla, asimismo en este ambiente se observaron los mayores valores de heredabilidad para todas las variables destacándose las variables n° de espigas (0,59) y peso de mil semillas (0,72), esto indica la posibilidad de selección e incorporación de estos genotipos en futuros programas de mejoramiento de la especie. Se concluye que existió variabilidad genética entre los genotipos y que a través de los parámetros genéticos se puede llevar a cabo la selección de los genotipos más productivos.